

Abteilung "Bioinformatik"

Journalbeiträge

1. Demir E, Cary MP, Paley S, Fukuda K, Lemer C, Vastrik I, Wu G, D'Eustachio P, Schaefer C, Luciano J, Schacherer F, Martinez-Flores I, Hu Z, Jimenez-Jacinto V, Joshi-Tope G, Kandasamy K, Lopez-Fuentes AC, Mi H, Pichler E, Rodchenkov I, Splendiani A, Tkachev S, Zucker J, Gopinath G, Rajasimha H, Ramakrishnan R, Shah I, Syed M, Anwar N, Babur O, Blinov M, Brauner E, Corwin D, Donaldson S, Gibbons F, Goldberg R, Hornbeck P, Luna A, Murray-Rust P, Neumann E, Reubenacker O, Samwald M, van Iersel M, Wimalaratne S, Allen K, Braun B, Whirl-Carrillo M, Cheung KH, Dahlquist K, Finney A, Gillespie M, Glass E, Gong L, Haw R, Honig M, Hubaut O, Kane D, Krupa S, Kutmon M, Leonard J, Marks D, Merberg D, Petri V, Pico A, Ravenscroft D, Ren L, Shah N, Sunshine M, Tang R, Whaley R, Letovksy S, Buetow KH, Rzhetsky A, Schachter V, Sobral BS, Dogrusoz U, McWeeney S, Aladjem M, Birney E, Collado-Vides J, Goto S, Hucka M, Le Novère N, Maltsev N, Pandey A, Thomas P, Wingender E, Karp PD, Sander C, Bader GD (2010) The BioPAX community standard for pathway data sharing. *NAT BIOTECHNOL*, 28(9): 935-42.
2. Stegmaier P, Krull M, Voss N, Kel AE, Wingender E (2010) Molecular mechanistic associations of human diseases. *BMC SYST BIOL*, 4: 124.

Buchbeiträge

1. Crass T (2010) Modellierungs- und Analysemethoden in der Systembiologie. In: M.A. Körner & A. Schöbel (Hg.) *Gene, Graphen, Organismen*. Shaker Verlag, Aachen, 3-34.

Medizinische Dissertationen

1. Degenhardt J, Dr. med., Analyse biologischer Signaltransduktionsnetzwerke auf der Grundlage von Genexpressionsdaten. Dissertation Universität Göttingen 2010.